ｊ．ハスループット塩基配列解析装置一式をモニターできる対角17インチ以上のＬＣＤモニターを附属すること。
ｋ．操作用のマウス、キーボードを附属すること。
ｌ．既知配列へのマッピングができる機能を有したソフトウェアを附属すること。
ｍ．出力されたＤＮＡ配列をアセンブリできる機能を有したソフトウェアを附属すること。
ｎ．塩基配列解析装置から出力される画像データを９時間以内でベースコールする機能を有し、かつＦＡＳＴＡフォーマットにて出力する機能を有すること。
ｏ．Head Node１基とSlave Node４基から構成されるClusterコンピュータであること。
ｐ．ＣＰＵは、Intel Xeon Dual Core 2.66 GHz相当以上の性能・機能を有すると判断されること。
ｑ．ＯＳは、Fedora Core４相当以上の機能を有すると判断されること。
ｒ．32ＧＢ以上のトータルメモリを有すること。
ｓ．ハードディスクストレージ容量は、物理容量３ＴＢ以上を有すること。
ｔ．Gigabit Networkポートを実装すること。

２）自動細胞解析装置レーザー
ａ．既設の自動細胞解析装置（米国ベクトン・ディッキンソン社FACS Calibur）に搭載可能であること。
ｂ．レーザーは空冷式で発振波長は488 nm以上であること。
ｃ．レーザーの発振出力は15mA以上であること。

Ｂ　超高感度プロテオーム・メタボローム解析システム
１）質量分析計
ａ．分解能30,000―100,000であること。
ｂ．質量精度３ppm以内であること。
ｃ．フーリエ変換型質量分析部を実装していること。
ｄ．多段階イオン開裂が可能であること。
ｅ．低分子カットオフが起きない衝突誘起解離機能を有すること。
ｆ．ナノフロー液体クロマトグラフィーに直結したエレクトロスプレーイオン化法に対応したイオン導入部を実装していること。

２）ナノフロー液体クロマトグラフィー
ａ．200―2000nl／minの範囲を満たす流速でのグラジエント形成が可能であること。
ｂ．可変式スプリッターを実装していること。
ｃ．サンプル自動注入装置を実装していること。

Ｃ　高性能クライオ電子顕微鏡システム
１）エネルギーフィルター
ａ．エネルギーフィルターはポストカラム型であり、２ｋ×２ｋ画素数以上のＣＣＤカメラを備えていること。

２）凍結切削システム
ａ．凍結切削システムは－185℃での超薄凍結切片試料の作成が行える機能を有していること。

２　資料及びコメントの提供方法　上記１⑵の物品に関する一般的な参考資料及び同⑸の要求要件等に関するコメント並びに提供可能なライブラリーに関する資料等の提供を招請する。
⑴　資料等の提供期限　平成21年８月３日17時00分（郵送の場合は必着のこと。）
⑵　提供先　〒812―8582 福岡市東区馬出三丁目１番１号　国立大学法人九州大学財務部病院地区調達室特定調達係　長谷川　清　電話092―642―6917

３　説明書の交付　本公表に基づき応募する供給者に対して導入説明書を交付する。
⑴　交付期間　平成21年７月３日から平成21年８月３日まで。
⑵　交付場所　上記２⑵に同じ。

４　説明会の開催　本公表に基づく導入説明会を開催する。
⑴　開催日時　平成21年７月10日16時00分
⑵　開催場所　九州大学医学部会議室

５　その他　この導入計画の詳細は導入説明書による。なお、本公表内容は予定であり、変更することがあり得る。

６　Summary
⑴　Classification of the products to be procured : 24
⑵　Nature and quantity of the products to be purchased : System for Multiscale Bioregulation Research 1 Set
⑶　Type of the procurement : Purchase
⑷　Basic requirements of the procurement :

A　Single-cell gene expression profiling system
１）Ultra high-throughput DNA sequencing device
ａ．The chemistry of nucleotide sequencing should be pyrosequencing.
ｂ．Its detecting chemistry should be chemiluminescence.
ｃ．It should be able to obtain ＞ 100 million bases per run in 7.5 hours.
ｄ．The reaction should be detected by a CCD camera.
ｅ．It should be able to analyze ＞ 200 bases per read.
ｆ．It should be able to yield ＞ 400,000 reads per run.
ｇ．It should be supplied with a specially designed cabinet on which the main machine can be mounted.
ｈ．The cabinet should be able to mount the main computer system.
ｉ．The OS of the main computer system should be Red Hat Enterprise Linux 4 or later.
ｊ．It should be equipped with a LCD monitor with the size of 17 inches by 17 inches or larger.
ｋ．It should be equipped with a mouse and a keyboard to manipulate the computer system.
ｌ．It should be equipped with a software which is able to map individual reads to known sequences.
ｍ．It should be equipped with a software which is able to assemble nucleotide sequences.
ｎ．It should be able to base-call from the raw image data and should be able to output in FASTA formats.
ｏ．The main computer system should be clustered with one Head Node and four Slave Node.
ｐ．The CPU of the main computer system should be Intel Xeon Dual Core 2.66 GHz or higher.
ｑ．The OS of the main computer system should be Fedora Core 4 or later versions.
ｒ．It should be equipped with ＞ 32GB of total memory size.
ｓ．It should be equipped with ＞ 3 TB of hard disk storage.
ｔ．Gigabit Network port should be implemented.

２）Laser for automatic cell analysis device
ａ．It should be loadable to the currently working automatic cell analysis device, BD FACSClibur System.
ｂ．It should be air-cooled and its oscillation wavelength should be 488 nm or higher.
ｃ．Its oscillation power should be 15 mA or higher.

B　An ultra-sensitive proteome and metabolome analysis system
１）Mass-spectrometry
ａ．Spectral resolutions in the range from 30,000 to 100,000 should be recommended.
ｂ．It should have less than ±3 ppm accuracy.
ｃ．It should be equipped with Fourier transformation type mass analyzer.
ｄ．It should be equipped with linear-iontrap that operate multi-dimension collision induced dissociation (MSn).
ｅ．It should be equipped with collision cell which eliminates low mass cut-off.
ｆ．It should have interface for electrospray ionization probe directly coupled with nano-flow liquid chromatography.