資料提供招請に関する公表

次のとおり物品の導入を予定していますので、当該導入に関して資料等の提供を招請します。

令和５年２月13日

経理責任者　独立行政法人国立病院機構
岩国医療センター院長　青　　雅一

◎調達機関番号　597　◎所在地番号　35

1　調達内容

⑴　品目分類番号　22

⑵　件名　脳神経外科用手術顕微鏡　一式

2　資料の提供

⑴　提供期限　令和５年３月31日17時00分

⑵　提出先　〒740―8510 山口県岩国市愛宕町１－１－１　独立行政法人国立病院機構岩国医療センター企画課長　安田　義孝　電話0827―34―1000

3　説明書等の交付　本公表に基づき応募する供給者に対して導入説明書を交付する。

⑴　交付期間　令和５年２月13日から令和５年３月30日まで。

⑵　交付場所　上記２⑵に同じ。

4　その他　この導入計画の詳細は導入説明書による。なお、本公表内容は予定であり、変更することがあり得る。

5　Summary

⑴　Classification of the products to be procured : 22

⑵　Nature and quantity of the products tobe required : Neurosurger Surgery Microscope 1 set

⑶　Type of the procurement : Purchase

⑷　Basic requirements of the procurement : Refer to the instructions for detail

⑸　Time-limit for the submission of comments : 5 : 00 P.M March 31, 2023.

⑹　Contact point for the notice : Yoshitaka Yasuda, Director, Accounting Division, National Hospital Organization Iwakuni Clinical Center, 1―1―1 Atago-Machi Iwakuni-shi, Yamaguchi-ken 740―8510, Japan. TEL 0827―34―1000

資料提供招請に関する公表

次のとおり物品の導入を予定していますので、当該導入に関して資料等の提供を招請します。

令和５年２月13日

国立大学法人東北大学理事　植木　俊哉

◎調達機関番号　415　◎所在地番号　04

〇第９号

1　調達内容

⑴　品目分類番号　24

⑵　導入計画物品及び数量　次世代シークエンシング解析システム　一式

⑶　調達方法　購入等

⑷　導入予定時期　令和５年度８月以降

⑸　調達に必要とされる基本的な要求要件

A）塩基配列読み取り方式は、Sequence by Synthesis（ＳＢＳ）ケミストリー法を採用していること。

B）読み取りは、532nmと457nmの２波長のレーザーを使用できること。

C）２フローセル以上の解析を同時に行うことができること。

D）読み取りの片側塩基長は、50、100、150塩基を含む複数の塩基長から設定できること。

E）塩基の読み取り方法について、同一ＤＮＡ 断片の両側からの読み取り方式（ペアエンド解析）を選択できること。

F）適切なフローセルを用いて150塩基のペアエンド解析を行う場合、16兆塩基以上のデータが出力できること。

G）ペアエンド解析を行う場合、一回のラン当たり520億リード以上のＤＮＡ配列データを得られる機能を有すること。

H）ペアエンド解析を行う場合、150塩基ずつ読み取れる機能を有すること。

Ｉ）50塩基のペアエンド解析時のクオリティスコアは、Phredスケールで Q30以上の塩基が90％以上であること。

Ｊ）150塩基のペアエンド解析時のクオリティスコアは、Phredスケールで Q30以上の塩基が85％以上であること。

K）150塩基のペアエンド解析を行う場合、50時間以内に解析を終了する機能を有すること。

L）シーケンサー本体内に主記憶（メモリ）容量1500ＧＢ以上と物理（ストレージ）容量60ＴＢ以上のＳＳＤを搭載し、Oracle ８相当以上のオペレーティングシステムで稼働する解析用コンピュータが内蔵されていること。

M）全ゲノムシーケンス、エクソームシーケンスやトランスクリプトーム発現解析などのアプリケーションに対応したバイオインフォマティクス二次解析パイプラインがシステム内に組み込まれていること。

2　資料及びコメントの提供方法　上記１⑵の物品に関する一般的な参考資料及び同⑸の要求要件等に関するコメント並びに提供可能なライブラリーに関する資料等の提供を招請する。

⑴　資料等の提供期限　令和５年３月16日17時00分（郵送の場合は必着のこと。）

⑵　提供先　〒980―8577 仙台市青葉区片平２－１－１　東北大学財務部調達課調達第一係長　秋山　茂紘　電話022―217―4869

3　説明書の交付　本公表に基づき応募する供給者に対して導入説明書を交付する。

⑴　交付期間　令和５年２月13日から令和５年３月16日まで。

⑵　交付場所　上記２⑵に同じ。

4　説明会の開催　本公表に基づく導入説明会を開催する。

⑴　開催日時　令和５年２月24日10時00分

⑵　開催場所　オンライン開催とする。（詳細は、導入説明書による。）

5　その他　この導入計画の詳細は導入説明書による。なお、本公表内容は予定であり、変更することがあり得る。

6　Summary

⑴　Classification of the products to be procured : 24

⑵　Nature and quantity of the products to be purchased :　Next-generation Sequencing Analysis System 1 Set

⑶　Type of the procurement : purchase

⑷　Basic requirements of the procurement :

A）Sequence by Synthesis (SBS) chemistry method shall be used as the reading method.

B）Two-wavelength lasers, 532nm and 457nm can be used for reading.

C）The system should be able to analyze two or more flow cells at the same time.

D）Read length can be selected from multiple base lengths including 50, 100, and 150 bases.

E）For the base reading method, the reading method from both sides of the same DNA fragment (paired-end analysis) should be selectable.

F）When paired-end analysis of 150 bases is performed using appropriate flow cells, data of 16 trillion bases or more can be produced.

G）The system should have the capability to obtain DNA sequence data of 52 billion reads or more per run by paired-end sequencing.

H）The system should have the capability to read 150 bases each by paired-end sequencing.

Ｉ）The quality score for paired-end analysis of 50 bases should be 90% or more of the bases above Q30 (Phred-scaled quality metric).

Ｊ）The quality score for paired-end analysis of 150 bases should be at least 85% for bases with Q30 or higher (Phred-scaled quality metric).

K）When performing paired-end analysis of 150 bases, the system must be capable of completing the analysis within 50 hours.

L）The sequencer must be equipped with a computer for analysis in the main body of the sequencer running on an operating system equivalent to Oracle 8 or higher, with a main memory of 1500 GB or more and a storage of 60 TB or higher SSD.

M）A bioinformatics second analysis pipeline for applications such as whole genome sequencing, exome sequencing, and transcriptome expression analysis must be built into the system.

⑸　Time limit for the submission of the requested material : 17 : 00　16 March, 2023

⑹　Contact point for the notice : Shigehiro Akiyama, Procurement Services Office, Finance Department, Tohoku University, 2―1―1 Katahira Aoba-ku Sendai-shi 980―8577 Japan, TEL 022―217―4869

第明治三十五種郵便物認可